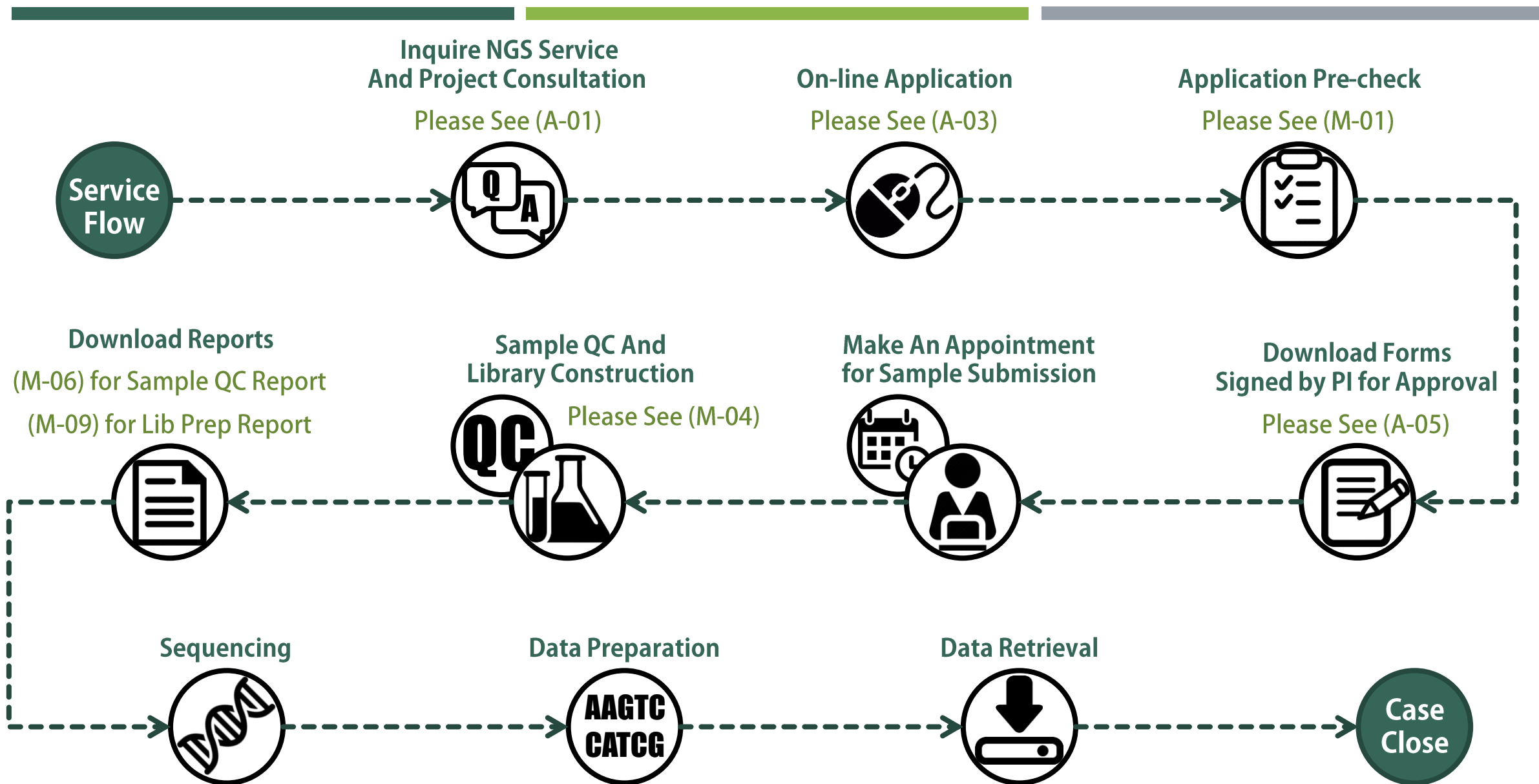

NGS CORE LIMS USER MANUAL



NGS Core Service Flow

- 在提出線上申請之前，請先聯絡 NGS Core Manager，並提供樣品明細，包括濃度、純度、膠圖、等相關資料，以便針對你的實驗需求進行討論與規劃 (A-01)。待所有需求都經審核確認過後，才可以登入 LIMS 填寫線上申請表 (A-03)。
- 你的線上申請表通過審核後 (M-01)，即可預約送件。請先下載定序服務申請表與樣品明細表，將表單列印出來給 PI 簽名後，才能算是有效文件 (A-05)。帶著你的樣品與申請文件即可依約好的時間前往送件。
- 樣品送達且案件成立之後，你可以隨時登入 LIMS 查詢所有案件的執行進度 (M-04)，也可以在線上查看結果或下載報告 (M-06) (M-09)。
- 樣品製備好後，我們會依序安排上機；並在完成定序與分析後，通知你取回定序結果。



USER FAQs



- (R-01) ■ LIMS 從哪裡去？
- (R-02) ■ 如何註冊 LIMS 帳號？任何人都可以註冊嗎？
- (R-03) ■ 我並非中研院內的 PI，也可以註冊 LIMS 帳號嗎？
- (R-04) ■ 我已經擁有 LIMS 帳號了，但可以更換註冊信箱嗎？此舉會影響我觀看以前所申請的案件內容嗎？

USER FAQs

Registration

- (A-01) ■ 申請定序服務的流程為何？
- (A-02) ■ 有提供估價服務嗎？
- (A-03) ■ 如何在 LIMS 上申請定序服務？
- (A-04) ■ 我可以同時申請兩項以上（一起上機）的定序服務嗎？
- (A-05) ■ 填完線上申請表之後，我就可以直接送件了嗎？送件的時候需要注意什麼呢？
- (A-06) ■ 我只準備好一部分的樣品，但想要馬上申請送件，剩下的部分可以之後再補齊嗎？
- (A-07) ■ 我可以把全部的樣品都送去，待 Sample QC 結果出來之後再從中挑幾個想要的來做嗎？
- (A-08) ■ 我想要拿以前送過的樣品來申請其他項目的定序服務，該怎麼填寫樣品明細表呢？
- (A-09) ■ 我想把自己製備好的 Library 送去上機，在申請的時候需要注意什麼嗎？
- (A-10) ■ 我想要拿以前在 NGS Core 製備好的 Library 出來再次申請上機，該如何操作呢？

USER FAQs

Application

- (M-01) ■ 提出申請之後（尚未送件），我要怎麼利用 QTID 查詢申請進度？
- (M-02) ■ 我收到 Your Application Is in Need of Revision 的通知，接下來該怎麼做？
- (M-03) ■ 我可以收回已提出的申請嗎？
- (M-04) ■ 案件成立之後（已經送件），我要怎麼利用 Case ID 查詢執行進度？
- (M-05) ■ 我可以收回已成立的案件嗎？
- (M-06) ■ 我收到 Sample QC Report Is Ready For Review 的通知，可以去哪裡看結果？
- (M-07) ■ 我的樣品未通過 QC (Sample QC Fail)，接下來該怎麼做？
- (M-08) ■ 我想送新的樣品來替換 Failed Sample，該如何操作呢？
- (M-09) ■ 我收到 Library Prep Is Finished 的通知，可以去哪裡看結果？
- (M-10) ■ 我的樣品製備失敗 (Library Prep Fail)，接下來該怎麼做？

USER FAQs

Management

REGISTRATION



LIMS 從哪裡去？

(R-01)

- 請至 NGS Core 網站（<http://ngs.biodiv.tw/NGSCore/>），於主選單中找到 NGS Core LIMS，點選即可前往 LIMS 頁面。

1



可至中研院生多中心的網站首頁
連到 NGS Core 網頁
<http://ngs.biodiv.tw/NGSCore/>

2



NGS High Throughput Genomics Core at BRCAS

[Welcome](#)[Publications](#)[Get Started!](#)[Services & Charges](#)[Documentation](#)[Contact & Location](#)[FAQs](#)[NGS Core LIMS](#)

前往 LIMS 頁面

如何註冊 LIMS 帳號？任何人都可以註冊嗎？

(R-02)

- 請於 LIMS 首頁點 Register new account 前往註冊頁面，填寫基本資料並送出後，NGS Core 會進行用戶確認。待確認無誤後，系統會寄發一封驗證信件 Activate Your LIMS Account 到你註冊的信箱中。請收信並點信件中的驗證連結，即可完成註冊程序。
- 我們僅開放 PI 可以申請LIMS帳號，所以想要申請定序服務的博後或助理，請使用貴實驗室的 PI 帳號登入 LIMS 申請。

1



Register new account



前往註冊頁面

2

送出資料且經確認無誤後，系統會寄出驗證信件。

Progress bar: 1. 填寫基本資料 (Fill-in user information) | 2. NGS Core完成確認 寄發確認結果通知信 (Wait for the verification email) | 3. 點選通知信內的連結，啟動帳號 (Click the verification link to activate your account) | 4. 完成帳號申請 (Complete Registration)

Chinese Name*: 姓子 ☐ I do not have a Chinese name

English First Name*: Keroko

English Last Name*: Kaeru

Faculty Website*: http://

E-MAIL*:

Phone Number*:

Mobile Phone Number:

Institute*:

Password*: At least 6 characters long

Password Confirm Password*:

Verification Code*: 88233



Activate Your LIMS Account



點驗證連結
即可完成註冊程序

我並非中研院內的 PI，也可以註冊 LIMS 帳號嗎？

(R-03)

- 可以。只要按下 Institute 欄位旁的 Create a off-campus institute 按鈕，填入你所屬的單位名稱，即可新增院外單位於清單中。

填寫基本資料
Fill-in user information

NGS Core完成確認
寄發確認結果通知信
Wait for the verification email

點選通知信內的連結，啟動帳號
Click the verification link
to activate your account

完成帳號申請
Complete Registration

1

2

3

4

Chinese Name*: 蛙子 ☐ I do not have a Chinese name

English First Name*: Keroko

English Last Name*: Kaeru

Faculty Website*: http://

E-MAIL*:

Phone Number*:

Mobile Phone Number:

Institute*:

Create a off-campus institute

Password*:
At least 6 characters long

Password Confirm Password*:

Verification Code*:

97268

(Case-insensitive)

Re-generate a verification code

Submit

Clear All

新增中研院外單位
Create a off-campus institute

Institute Name

沼澤大學 兩棲所

確定

我已經擁有 LIMS 帳號了，但可以更換註冊信箱嗎？ 此舉會影響我觀看以前所申請的案件內容嗎？

(R-04)

- 可以。只要告知我們你的新信箱地址（聯絡資訊如下），經 NGS Core 確認無誤後，系統會寄發一封通知信件 Change LIMS Account 到新的信箱中。請收信並點信件中的驗證連結，即可完成變更程序。
- 不會。你原有的申請紀錄都會被保留下來，以新帳號登入 LIMS 即可觀看完整的内容。
- Core Manager：呂美曄 研究副技師（Dr. Mei-Yeh Lu）
Email：biofuel@gate.sinica.edu.tw
Office Tel：(02) 2787-2218

APPLICATION



申請定序服務的流程為何？

(A-01)

- 在提出線上申請之前，請先聯絡 NGS Core Manager（聯絡資訊如下），並提供樣品明細，包括濃度、純度、膠圖、等相關資料，以便針對你的實驗需求進行討論與規劃。待所有需求都經審核確認過後，才可以登入 LIMS 填寫線上申請表。
- Core Manager：呂美曄 研究副技師（Dr. Mei-Yeh Lu）
Email：biofuel@gate.sinica.edu.tw
Office Tel：(02) 2787-2218
- 若想知道如何填寫線上申請表，請參考 [\(A-03\)](#)。
- 若想知道送件流程及注意事項，請參考 [\(A-05\)](#)。

有提供估價服務嗎？

(A-02)

- LIMS 有線上估價的功能。請於首頁點 Get On-line Quotation!，決定一種定序平台後，即可進入估價頁面。於左邊側欄中選擇一項或多項 Application Type 並填入相關資訊，包括：預計製備的 Library 數量、預計送達的 Sample 數量，以及上機需求。按下 Quote 按鈕後，即可看到估價金額於表格下方。
- 如果你需要紙本估價單的話，只要按下 Print 按鈕，即可下載 PDF 格式的估價單。
- 請注意，估價金額與實際費用可能有落差，最終收取的費用以 NGS Core 計算的為準。

1



Login On-line Service System

E-mail:	
Password:	
Verification Code:	
Login	
Help, I forgot my password	

[Register new account](#) [Re-send a verification email](#)

 **Get On-line Quotation!**

Important Announcement

前往估價頁面

2

決定一種定序平台

Choose Instrument Service

☐ Illumina System ☐ PacBio System

3

Quotation Service

本估價單的總金額僅供參考，實際應收取的費用須以本核心實驗室所提供之正式報價單的金額為主。



Application Type

- ☐ (S-B) TruSeq Methylation DNA Lib
- ☐ (S-C) TruSeq Paired-End DNA Lib
 - ☒ (S-Ca) TruSeq Paired-End DNA Lib, Gel free
 - ☐ (S-Cb) TruSeq Paired-End DNA Lib, Gel plus
- ☐ (S-D) TruSeq Long Insert Paired-End DNA Lib
- ☐ (S-E) TruSeq Small RNA Lib miRNA
- ☐ (S-G) Degradome Lib
- ☐ (S-I) TruSeq ChIP DNA Lib
- ☐ (S-L) Ready-to-Seq Library
- ☒ (S-M) Nextera Mate-Pair DNA Lib
- ☐ (S-N) TruSeq Synthetic Long-Read DNA Lib
- ☐ (S-P) Indexing PCR 2nd Step PCR
- ☐ (S-Q) Nextera DNA Lib
- ☐ (S-R) Nextera XT DNA Lib
- ☒ (S-S) Stranded mRNA Lib, Poly-A
- ☒ (S-T) Stranded mRNA Lib, Ribo-Zero
- ☒ (S-U) Ultra-Low Input Stranded mRNA Lib
- ☐ (S-W) Human Exome Capture
- ☐ (S-Z) Customized Prep
- ☐ (QC) QC only

預計製備的
Library數量

預計送達的
Sample數量

上機需求

App. Type	Unit Price	# of Library Construction	Sample QC	# of Sample Submitted	Sequencing Mode	Multiplexing	Lanes Requested	Total Price
S-Ca	6,660	10	☒ Qubit DNA ☐ Qubit RNA ☐ qPCR (Ready-to-Seq) ☐ BioA HS DNA ☐ BioA RNA Nano ☐ BioA RNA Pico ☐ FA DNA 6-Kb ☐ FA DNA 50-Kb	80	Clear 117,800 Format Read Length ☒ PE 2*125 ☐ SR 100 ☐ HiSeq Rapid ☐ MiSeq	10	1	

Total Lane(s): 1

Grand Total: 0 (Exclude Inquiry)

按下Quote之後，即顯示總金額於此

可下載估價單

如何在 LIMS 上申請定序服務？

(A-03)

- 登入 LIMS 後，在主選單 SERVICE 之下點選 Apply For Services，決定一種定序平台後，即可進入服務選擇頁面。於左邊側欄中點選一項或多項 Application Type 並填入相關資訊，包括：預計製備的 Library 數量、預計送達的 Sample 數量，以及上機需求。按下 Quote 按鈕後，即可看到估價金額於表格下方。
- 接下來，填寫聯絡人資訊。如果你需要紙本估價單的話，請於預覽申請資料的頁面右下方，按下 Print 按鈕，即可下載 PDF 格式的估價單。
- 最後，請提供樣品明細表以及與樣品相關的任何補充資料。空白表格皆可於頁面上點選下載。請注意檔案名稱是否符合規定，且補充資料的上傳格式必須為 PDF 檔。
- 申請完成後，你會得到一個 QTID 代表此（尚未送樣的）定序申請單。如果你在樣品送出前對申請單的內容有任何問題，可以提供 QTID 給我們，以便我們快速搜尋並提供服務。

1



前往服務申請頁面

2

填寫價格估算表 Quotation 填寫聯絡人及Project Fill-in User Information 預覽服務申請資料 Preview Your Requisition 填寫及上傳樣品明細表 Upload Sample Sheet 完成申請，等待NGS Core確認 Complete On-line Application

Application Type

- ☐ (S-B) TruSeq Methylation DNA Lib
- ☐ (S-C) TruSeq Paired-End DNA Lib
 - ☒ (S-Ca) TruSeq Paired-End DNA Lib, Gel free
 - ☐ (S-Cb) TruSeq Paired-End DNA Lib, Gel plus
- ☐ (S-D) TruSeq Long Insert Paired-End DNA Lib
- ☐ (S-E) TruSeq Small RNA Lib miRNA
- ☐ (S-G) Degradome Lib
- ☐ (S-I) TruSeq ChIP DNA Lib
- ☐ (S-L) Ready-to-Seq Library
- ☒ (S-M) Nextera Mate-Pair DNA Lib
- ☐ (S-N) TruSeq Synthetic Long-Read DNA Lib
- ☐ (S-P) Indexing PCR 2nd Step PCR
- ☐ (S-Q) Nextera DNA Lib
- ☐ (S-R) Nextera XT DNA Lib
- ☒ (S-S) Stranded mRNA Lib, Poly-A
- ☒ (S-T) Stranded mRNA Lib, Ribo-Zero
- ☒ (S-U) Ultra-Low Input Stranded mRNA Lib
- ☐ (S-W) Human Exome Capture
- ☐ (S-Z) Customized Prep
- ☐ (QC) QC only

App. Type	Unit Price	# of Library Construction	Sample QC	# of Sample Submitted	Sequencing Mode	Multiplexing	Lanes Requested	Total Price														
S-Ca	6,660	10		80	Clear 160,200 ☒ HiSeq HT ☒ HiSeq Rapid <table><thead><tr><th>Format</th><th>Read Length</th></tr></thead><tbody><tr><td>☐ PE</td><td>2*100</td></tr><tr><td>☐ PE</td><td>2*150</td></tr><tr><td>☐ PE</td><td>2*200</td></tr><tr><td>☒ PE</td><td>2*250</td></tr><tr><td>☐ SR</td><td>50</td></tr><tr><td>☐ SR</td><td>100</td></tr></tbody></table> ☒ MiSeq	Format	Read Length	☐ PE	2*100	☐ PE	2*150	☐ PE	2*200	☒ PE	2*250	☐ SR	50	☐ SR	100	10	1	
Format	Read Length																					
☐ PE	2*100																					
☐ PE	2*150																					
☐ PE	2*200																					
☒ PE	2*250																					
☐ SR	50																					
☐ SR	100																					

Total Lane(s): 1
Grand Total: 0 (Exclude Inquiry)

按下Quote之後
即顯示總金額於此

Next

3

填寫價格估算表 Quotation
 填寫聯絡人及Project Fill-in User Information
 預覽服務申請資料 Preview Your Requisition
 填寫及上傳樣品明細表 Upload Sample Sheet
 完成申請 Complete On-line Application

Principal Investigator

Name Name(中文): 蛙子
 First Name(En): Keroko Last Name(En): Kaeru
 Institute 沼澤大學 兩棲所
 Phone 02-27871199
 E-mail jengyili@gmail.com

Applicant (Contact)

Name Name(中文): 蝌蚪君 ☐ I do not have a Chinese name
 First Name(En)*: Tamama Last Name(En)*: Kun
 Institute* 沼澤大學 兩棲所
 Phone* 02-27871199
 E-mail* tamatama@gmail.com

Add contact persons

Project (brief description)

Project Name* Amphibia
 Funding Sources* Amphibia

Back

Preview Service Requisitions

4

填寫價格估算表 Quotation
 填寫聯絡人及Project Fill-in User Information
 預覽服務申請資料 Preview Your Requisition
 填寫及上傳樣品明細表 Upload Sample Sheet
 完成申請，等待NGS Core確認 Complete On-line Application

Principal Investigator

Name Name(中文): 蛙子
 First Name(En): Keroko Last Name(En): Kaeru
 Institute 沼澤大學 兩棲所
 Phone 02-27871199
 E-mail jengyili@gmail.com

Applicant (Contact)

Name Name(中文): 蝌蚪君
 First Name(En): Tamama Last Name(En): Kun
 Institute 沼澤大學 兩棲所
 Phone 02-27871199
 E-mail tamatama@gmail.com

Project (brief description)

Project Name Amphibia
 Funding Sources Amphibia

Quotation

App. Type	# of Library Construction	Sample QC	# of Sample Submitted	Sequencing Mode	Multiplexing	Lanes Requested	Total Price
(S-Ca) 6,660 TruSeq Paired-End DNA Lib, Gel free	10	Qubit DNA 80	10	HiSeq Rapid 160,200 Format Read Length PE 2*250	10	1	226,800

Total Lane(s): 1
 Total Amount: 226,800 (Exclude Inquiry)

Back

Next

Print

可增加聯絡人名單

(PI與聯絡人都會收到系統通知信)

可下載估價單

5

填寫價格估算表
Quotation

1

填寫聯絡人及Project
Fill-in User Information

2

預覽服務申請資料
Preview Your Requisition

3

填寫及上傳樣品明細表
Upload Sample Sheet

4

完成申請，等待NGS Core確認
Complete On-line Application

5

注意事項:

- Please refer to "NGS Sample Preparation Guide" for the labeling and packing, and ensure the quantity and quality of samples fit the NGS requirement.
- Sample Name must be the same as the labeling on the tube cap.

App. Type	(S-Ca) TruSeq Paired-End DNA Lib, Gel free	
Organism or Species *		Sample Definition *: ☐ genomic DNA ☐ amplicon ☐ total RNA ☐ ChIP DNA ☐ cDNA ☐ Real-time ☐ plasmid DNA ☐ mRNA ☐ other
Genome Size or DNA Length *		
Purification Method *		
Upload Sample Sheet *	Upload Download Table	Enzyme Treatment & Usage: Clear ☐ DNase ☐ RNase ☐ RNase Inhibitor
Upload Supplemental Information *	選擇檔案 未選擇任何檔案 File name must be "S-Ca_supplInfo.pdf". ☐ No Supplemental Information Available Reason:	
Note	Remaining character: 120 	

下載空白表格 (.xls)

下載空白表格 (.doc)

提供樣品明細表 (.xls)

[Download](#)

提供補充資料 (.pdf)

S-Ca_supplInfo.pdf

File name must be "S-Ca_supplInfo.pdf".

☐ No Supplemental Information AvailableReason:

或不提供資料 (註明理由)

未選擇任何檔案

File name must be "S-Ca_supplInfo.pdf".

☒ No Supplemental Information Available

Reason: No gel image

6



- Your NGS sequencing application is successfully submitted. As a part of our standard service procedure (see [Service Flow](#)), every requisition will go through a visual quality inspection prior to the actual sample submission. We will let you know soon about the result of pre-inspection. Your patience and understanding is appreciated as we are processing your application.

QTID:	QT180322-000047
Application Date:	2018/03/22 13:10
Status:	Pending

QTID 可以用來快速搜尋
尚未送樣的定序申請單

我可以同時申請兩項以上（一起上機）的定序服務嗎？

(A-04)

- 可以。Application Type 是複選的，點選欲申請的項目後，只要把需求個別填寫好，並將樣品明細表與補充資料個別上傳，即可提出申請。
- 請注意，若想將兩項（以上）的服務申請單安排一起上機，Lanes 或 SMRT-Cells 的數量加總必須為整數。

可複選
Application Type

填寫價格估算表 Quotation 填寫聯絡人及Project Fill-in User Information 預覽服務申請資料 Preview Your Requisition 填寫及上傳樣品明細表 Upload Sample Sheet 完成申請，等待NGS Core確認 Complete On-line Application

1 2 3 4 5

Application Type

- ☐ (S-B) TruSeq Methylation DNA Lib
- ☐ (S-C) TruSeq Paired-End DNA Lib
 - ☐ (S-Ca) TruSeq Paired-End DNA Lib, Gel free
 - ☐ (S-Cb) TruSeq Paired-End DNA Lib, Gel plus
- ☐ (S-D) TruSeq Long Insert Paired-End DNA Lib
- ☒ (S-E) TruSeq Small RNA Lib miRNA
- ☐ (S-G) Degradome Lib
- ☐ (S-I) TruSeq ChIP DNA Lib
- ☐ (S-L) Ready-to-Seq Library
- ☒ (S-M) Nextera Mate-Pair DNA Lib
- ☐ (S-N) TruSeq Synthetic Long-Read DNA Lib
- ☐ (S-P) Indexing PCR 2nd Step PCR
- ☐ (S-Q) Nextera DNA Lib
- ☐ (S-R) Nextera XT DNA Lib
- ☐ (S-S) Stranded mRNA Lib, Poly-A
 - ☒ (S-Sa) Stranded mRNA Lib TruSeq, Poly-A
 - ☐ (S-Sz) Stranded mRNA Lib (Customized Prep, Poly-A)
- ☒ (S-T) Stranded mRNA Lib, Ribo-Zero
- ☒ (S-U) Ultra-Low Input Stranded mRNA Lib
- ☐ (S-W) Human Exome Capture
- ☐ (S-Z) Customized Prep
- ☐ (QC) QC only

Illumina Service Quotation
Please fill in all fields to get a price quote for your specific needs.

App. Type	Unit Price	# of Library Construction	Sample QC	# of Sample Submitted	Sequencing Mode	Multiplexing	Lanes Requested	Total Price
S-E	13,300	5	☐ Qubit DNA ☒ Qubit RNA 80 ☐ qPCR (Ready-to-Seq) ☐ BioA HS DNA ☒ BioA RNA Nano 2,000 ☐ BioA RNA Pico ☐ FA DNA 6-Kb ☐ FA DNA 50-Kb	5	Clear 117,800 ☒ HiSeq HT Format Read Length ☒ PE 2*125 ☐ SR 100 ☐ HiSeq Rapid ☐ MiSeq	5	0.4	113,620
S-Sa	9,100	10	☐ Qubit DNA ☒ Qubit RNA 80 ☐ qPCR (Ready-to-Seq) ☐ BioA HS DNA ☒ BioA RNA Nano 2,000 ☐ BioA RNA Pico ☐ FA DNA 6-Kb ☐ FA DNA 50-Kb	10	Clear 117,800 ☒ HiSeq HT Format Read Length ☒ PE 2*125 ☐ SR 100 ☐ HiSeq Rapid ☐ MiSeq	10	0.6	161,680

Total Lane(s): 1
Grand Total: 275,300 (Exclude Inquiry)

Next

個別填入需求

數量加總必須為整數

個別提供 樣品明細表與補充資料

填寫價格估算表 Quotation 1 >> 填寫聯絡人及Project Fill-in User Information 2 >> 預覽服務申請資料 Preview Your Requisition 3 >> **填寫及上傳樣品明細表 Upload Sample Sheet 4** >> 完成申請，等待NGS Core確認 Complete On-line Application 5

注意事項:

- Please refer to "[NGS Sample Preparation Guide](#)" for the labeling and packing, and ensure the quantity and quality of samples fit the NGS requirement.
- Sample Name must be **the same as** the labeling on the tube cap.

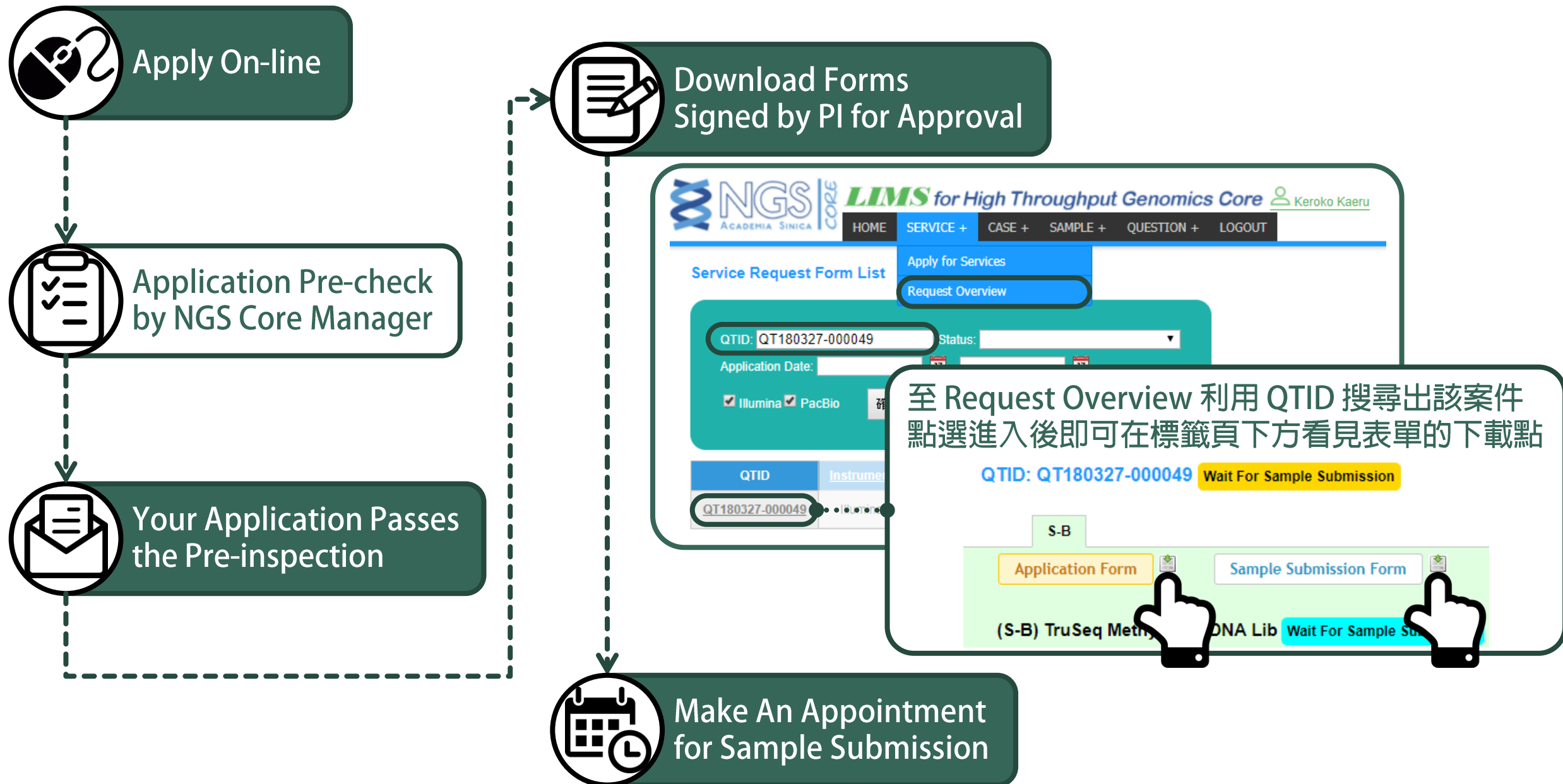
App. Type	(S-E) TruSeq Small RNA Lib miRNA		
Organism or Species*			
Genome Size or DNA Length*			
Purification Method*			
Upload Sample Sheet*	Upload Download Table		
Upload* Supplemental Information	選擇檔案 未選擇任何檔案 File name must be "S-E_supplInfo.pdf". ☐ No Supplemental Information Available Reason:		
Note	Remaining character: 120 		

App. Type	(S-Sa) Stranded mRNA Lib TruSeq, Poly-A		
Organism or Species*			
Genome Size or DNA Length*			
Purification Method*			
Upload Sample Sheet*	Upload Download Table		
Upload* Supplemental Information	選擇檔案 未選擇任何檔案 File name must be "S-Sa_supplInfo.pdf". ☐ No Supplemental Information Available Reason:		
Note	Remaining character: 120 		

填完線上申請表之後，我就可以直接送件了嗎？ 送件的時候需要注意什麼呢？

(A-05)

- 不可以，你所申請的案件必須先經過 NGS Core Manager 的審核 (Application Pre-check)。審核通過後，你會收到系統通知信 Your Application Passes the Pre-inspection，且案件的申請狀態顯示為 Wait For Sample Submission，此時你才可以約時間送件。
- 送件之前，請先下載定序服務申請表與樣品明細表（見下述），將表單列印出來給 PI 簽名後，才能算是有效文件。帶著你的樣品與申請文件即可前往送件。
- 登入 LIMS 後，至主選單 SERVICE 之下的 Request Overview 頁面中，利用 QTID 找出該案件，在標籤頁的下方即可看見表單的下載點。
- 如果你同時申請兩個以上的定序服務，請記得把文件個別列印出來。
- 有關樣品包裝與運送規則，請參考 NGS Core 網站上的說明：[Sample Submission](#)



我只準備好一部分的樣品，但想要馬上申請送件，
剩下的部分可以之後再補齊嗎？

(A-06)

- 可以。請在一開始申請定序服務的時候，填寫預計送來的樣品總數，並在上傳樣品明細表的頁面，提供實際送來的樣品清單。待申請內容經審核通過後，即可約時間完成第一次送件。
- 下一批樣品準備好後，請先登入 LIMS，利用 Case ID 至主選單 CASE 之下的 Case Overview 頁面找出該案件，點 Case ID 進入後，再到標籤頁 Sample Submission Form 中，按下 Add Sample Submission Form 按鈕，即可上傳第二份樣品明細表。待明細表內容經確認過後，即可約時間完成第二次送件。
- 後面幾批樣品的送件方式以此類推。

1

填寫預計送來的
樣品總數

Illumina Service Quota
Please fill in all fields to get a price quote for your project.

App. Type	Unit Price	# of Library Construction	Sample QC	# of Sample Submitted	Sequencing Mode	Multiplexing	Lanes Requested	Total Price
S-I	9,140	10	☒ Qubit DNA ☐ Qubit RNA ☐ qPCR (Ready-to-Seq) ☒ BioA HS DNA ☐ BioA RNA Nano ☐ BioA RNA Pico ☐ FA DNA 6-Kb ☐ FA DNA 50-Kb	80	Clear 53,000 ☐ HiSeq HT ☒ HiSeq Rapid Format Read Length ☐ PE 2*100 ☐ PE 2*150 ☐ PE 2*200 ☐ PE 2*250 ☒ SR 50 ☐ SR 100 ☐ MiSeq	10	1	144,400

2

Total Lane(s): 1

Grand Total: 144,400 (Excludes)

App. Type	(S-I) TruSeq ChIP DNA Lib
Organism or Species*	Frog
Genome Size or DNA Length*	2GB
Purification Method*	Kit
Upload Sample Sheet*	Upload Sample Sheet uploaded. Download Table
Upload* Supplemental Information	選擇檔案 S-I_supplInfo.pdf File name must be "S-I_supplInfo.pdf". ☐ No Supplemental Information Available Reason:
Note	Remaining character: 120

提供實際送來的樣品清單（第一批樣品）

Upload Sample Submission Sheet Finished
Please press Close to close window.

Close

You applied # of Sample Submitted is 10, but the sample submission form only has 5 samples. Please remember to complete the number later.

Sample Sheet:

No	Sample Name	Qubit (ng/ul)	Nano Drop (ng/ul)	Vol. (ul)	Amt. (ng)	OD 260/280	OD 260/230	rRNA Ratio	RIN	Notes	Status	Receive Date	Sample ID
1.	amphibia 01		8	30	0.24	1.8	2.1				Waiting		
2.	amphibia 02		5	30	0.15	1.8	2.1				Waiting		
3.	amphibia 03		7.5	30	0.225	1.8	2.1				Waiting		
4.	amphibia 04		10	30	0.3	1.8	2.1				Waiting		
5.	amphibia 05		6.5	30	0.195	1.8	2.1				Waiting		



經 NGS Core Manager 審核過後，即可預約第一批樣品送件

3

Case List

Case Overview

Case ID: 20180327-S2 Case Status: ▼

QTID: Accept Date: 17 ~ 17

☒ Illumina ☒ PacBio

當下一批樣品準備好之後
至 Case Overview 找出該案件
(可利用 Case ID 搜尋)

Case ID	Instruement	Accept Date	App. Type	Seq Info	Status	Status Updated	Select Sample	Sample QC Report	Lib Prep Report
20180327-S2	Illumina	2018/3/27 上午 11:46	S-I	HiSeq Rapid SR 50, 1.0 Lane(s)	Sample Delivery Batch Delivery	2018/3/27 上午 11:46			



點 Case ID 進入

4

NGS Core LIMS for High Throughput Genomic Core
ACADEMIA SINICA HOME SERVICE + CASE

Application **Sample Submission Form**

注意事項:

- Please refer to "NGS Sample Preparation Guide" for the labeling and packing, and ensure the quantity and quality of samples fit the NGS requirement.
- Sample Name must be the same as the labeling on the tube cap.

Sample Information:

Organism or Species*	Frog	Sample Definition*:
Genome Size or DNA Length*	2GB	☐ genomic DNA ☐ amplicon ☐ total RNA ☒ ChIP DNA ☐ cDNA ☐ Ready-to-seq Library ☐ plasmid DNA ☐ mRNA ☐ other
Purification Method*	Kit	
Enzyme Treatment & Usage:	Dissolved in*: EB	Sample Type*: DNA

File List:

No.	Submission Date	Sample Sheet	Sample Submission Form	Supplemental Information
1	2018/03/27	View Contents	Download	Download

+Add Sample Submission Form

至標籤頁 Sample Submission Form

加入新的樣品明細表

5

Add Sample Submission Form

Case ID 20180327-S2

Upload Sample Sheet* [Upload](#) [Download](#) **Sample Sheet uploaded.**

Upload* Supplemental Information [選擇檔案](#) S-I_supplInfo_2.pdf
File name must be "S-I_supplInfo_2.pdf".
☐ No Supplemental Information Available
Reason:

Note

提供實際送來的樣品清單（第二批樣品）

Upload Sample Submission Sheet Finished

Please press Close to close window.

[Close](#)

Sample Sheet:

No	Sample Name	Qubit (ng/ul)	Nano Drop (ng/ul)	Vol. (ul)	Amt. (ng)	OD 260/280	OD 260/230	rRNA Ratio	RIN	Notes	Status	Receive Date	Sample ID
1.	amphibia 06		8.5	30	0.255	1.8	2.1				Waiting		
2.	amphibia 07		5.5	30	0.165	1.8	2.1				Waiting		
3.	amphibia 08		7	30	0.21	1.8	2.1				Waiting		
4.	amphibia 09		12	30	0.36	1.8	2.1				Waiting		
5.	amphibia 10		6	30	0.18	1.8	2.1				Waiting		



經 NGS Core Manager 審核過後，即可預約第一批樣品送件

我可以把全部的樣品都送去，
待 Sample QC 結果出來之後再從中挑幾個想要的來做嗎？ (A-07)

- 你可以有兩種做法：已知 Library 數量 vs 尚未決定 Library 數量。
- 已知 Library 數量：如果你已經確定要製備多少 Library 的話，請按照一般程序申請定序服務 [\(A-03\)](#)。待收到系統通知信 Sample QC Report Is Ready For Review 之後，即可登入 LIMS 去查看結果或下載報告，並挑選樣品以製備 Library。請注意，挑選的數量必須與當初申請單上所填寫的 # of Library Constructions 數量一致。
- 尚未決定 Library 數量：如果你還沒決定要製備多少 Library 的話，請先申請 (QC) QC-only。待收到系統通知信 Sample QC Report Is Ready For Review 之後，即可登入 LIMS 去查看結果或下載報告。等你決定好要製備的 Library 數量之後，再依一般程序申請定序服務 [\(A-03\)](#)。請注意，由於你的樣品已經配有 Sample ID，因此有關樣品明細表的部分請參照 [\(A-08\)](#) 的做法來填寫。



已知 Library 數量：先申請定序服務，再依結果挑選樣品



填寫價格估算表
Quotation

1

>>

填寫聯絡人及 Project
Fill-in User Information

2

>>

預覽服務申請資料
Preview Your Requisition

3

>>

填寫及上傳樣品明細表
Upload Sample Sheet

4

>>

完成申請，等待 NGS Core 確認
Complete On-line Application

5



Your Application Passes
the Pre-inspection



Sample Delivery



QC Test (NGS Core)



Sample QC Report Is
Ready For Review

Illumina Service Quotation

Please fill in all fields to get a price quote for your specific needs.

App. Type	Unit Price	# of Library Construction	Sample QC	# of Sample Submitted	Sequencing Mode	Multiplexing	Lanes Requested	Total Price
S-E	13,300	5	☐ Qubit DNA	80	Clear 66,000	5	1	134,740
			☒ Qubit RNA		HiSeq HT			
			☐ qPCR (Ready-to-Seq)		Format Read Length			
			☐ BioA HS DNA		PE 2*125			
			☒ BioA RNA Nano		SR 100			
			☐ BioA RNA Pico		HiSeq Rapid			
			☐ FA DNA 6-Kb		MiSeq			
			☐ FA DNA 50-Kb					

Total Lane(s): 1

Grand Total: 134,740 (Exclude Inquiry)

Next

Case List

Case Overview

Case ID: 20180926-S3 Case Status: ▼

QTID: Accept Date: 17 ~ 17

☒ Illumina ☒ PacBio 確定

收到 QC 完成通知信之後
至 Case Overview 找出該案件
(可利用 Case ID 搜尋)

Case ID	Instrument	Accept Date	App. Type	Seq Info	Status	Status Updated	Select Sample	Sample QC Report	Lib Prep Report
20180926-S3	Illumina	2018/9/26 下午 5:20	S-E	HiSeq HT SR 100, 1.0 Lane(s)	QC Finished	2018/9/26 下午 5:23			

Sample QC Report

NGS Core Case Info

Case ID	20180926-S3	QC Finished	QTID	QT180926-000098
App Type	(S-E) TruSeq Small RNA Lib miRNA		Seq Info	HiSeq HT SR 100, 1.0 Lane(s)
Sample List	View Sample List		Accept Date	2018/9/26 下午 5:20
Signed File			QC Report	
			Lib Prep Report	

點此可下載報告
Sample QC Report (.xlsx)



查看 QC 結果
並下載報告

Sample QC Summary

Sample ID	Sample Name	Qubit RNA (ng/ul)	Volume(ul) After QC	Amount(ug) After QC	RNA Ratio	RIN Value	QC Result	Note	Status	Selected
ST18-AY01	KERORO-1	1555	135	209.93	1.9	8.2	Pass		QC Pass	
ST18-AY02	KERORO-2	1120	85	95.2	2.5	8.2	Pass		QC Pass	
ST18-AY03	TAMAMA-1	1205	85	102.43	2.3	8.3	Pass		QC Pass	
ST18-AY04	TAMAMA-2	1435	185	265.48	1.8	8.5	Pass		QC Pass	
ST18-AY05	GIRORO	1450	180	261	1.8	8.3	Pass		QC Pass	
ST18-AY06	DORORO	1335	150	200.25	2	8.5	Pass		QC Pass	
ST18-AY07	KURURU-1	1240	95	117.8	2.1	8.5	Pass		QC Pass	
ST18-AY08	KURURU-2	1100	120	132	2.1	8.6	Pass		QC Pass	

Case List

Case Overview

Case ID: 20180926-S3

Case Status: ▼QTID: 17Accept Date: 17 ~ 17☒ Illumina ☒ PacBio

確定

收到 QC 完成通知信之後
至 Case Overview 找出該案件
(可利用 Case ID 搜尋)

注意事項:

- 請挑選要進行 Library Prepare 實驗的 Sample(s)。
- 可以挑選 **5** 個 Samples。

Sample List:

No.	Select	Sample Name	Sample ID	Sample Status	Note	Pooling Sample
1	☐	KERORO-1	ST18-AY01	QC Pass		
2	☒	KERORO-2	ST18-AY02	QC Pass		
3	☒	TAMAMA-1	ST18-AY03	QC Pass		
4	☐	TAMAMA-2	ST18-AY04	QC Pass		
5	☒	GIRORO	ST18-AY05	QC Pass		
6	☒	DORORO	ST18-AY06	QC Pass		
7	☐	KURURU-1	ST18-AY07	QC Pass		
8	☒	KURURU-2	ST18-AY08	QC Pass		

最後挑選的數量必須與
當初申請單上所填寫的
of Library Construction 數量一致

挑選樣品
以製備 Library



尚未決定 Library 數量：先申請 QC only，再申請定序服務



先申請 QC only



NGS Core Notification:
Sample QC Report Is Ready For Review



登入 LIMS 查看結果或下載報告
Sample QC Report (.xlsx)



依需求再次申請定序服務

Application Type

- ☐ (S-B) TruSeq Methylation DNA Lib
- ☒ (S-C) TruSeq Paired-End DNA Lib
- ☐ (S-D) TruSeq Long Insert Paired-End DNA Lib
- ☐ (S-E) TruSeq Small RNA Lib miRNA
- ☐ (S-F) TruSeq Regular mRNA
- ☐ (S-G) Degradome Lib
- ☐ (S-I) TruSeq ChIP DNA Lib
- ☐ (S-L) Ready-to-Seq Library
- ☒ (S-M) Nextera Mate-Pair DNA Lib
- ☐ (S-N) TruSeq Synthetic Long-Read DNA Lib
- ☐ (S-P) Indexing PCR 2nd Step PCR
- ☐ (S-Q) Nextera DNA Lib
- ☐ (S-R) Nextera XT DNA Lib
- ☒ (S-S) Stranded mRNA Lib, Poly-A
- ☒ (S-T) Stranded mRNA Lib, Ribo-Zero
- ☒ (S-U) Ultra-Low Input Stranded mRNA Lib
- ☐ (S-Z) Customized Prep
- ☒ (QC) QC only

Case ID	Instrument	Accept Date	App. Type	Seq Info	Status	Status Updated	Select Sample	Sample QC Report	Lib Prep Report
20180329-S1	Illumina	2018/3/29 下午 12:23	QC		QC Finished	2018/3/29 下午 12:26			

我想要拿以前送過的樣品來申請其他項目的定序服務， 該怎麼填寫樣品明細表呢？

(A-08)

- 由於送來 NGS Core 的所有樣品皆配有各自的樣品編號 (Sample ID)，因此在填寫樣品明細表的時候，必須將該樣品的樣品編號填入表格的 Sample ID 欄位中。
- 若你不確定該樣品的 Sample ID 為何，可至主選單 SAMPLE 之下的 Sample Overview 頁面，利用 Sample Name 搜尋該樣品的資料。
- 或者，你可至主選單 CASE 之下的 Case Overview 頁面，利用 Case ID 找出該樣品所屬的案件，並點 Sample QC Report 的文件圖示，即可在 Sample QC Summary 清單中找到該樣品的 Sample ID。

將樣品的 Sample ID 填入
樣品明細表的此欄位中

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K
	Sample Name (tube labeling)	Qubit (ng/ul)	Nano Drop (ng/ul)	Vol. (ul)	Amt. (ug)	OD 260/280	OD 260/230	rRNA Ratio	RIN	Notes	Sample ID
1											
2	KERORO-1		1216	100	121.6	2.1	2.34	1.9	8.2		ST18-AM01
3	KERORO-2		1387	100	138.7	2.12	2.37	2.5	8.2		ST18-AM02
4	TAMAMA-1		1262	100	126.2	2.11	2.36	2.3	8.3		ST18-AM03
5	TAMAMA-2		1255	100	125.5	2.1	2.24	1.8	8.5		ST18-AM04
6	GIRORO-1		1127	100	112.7	2.09	2.21	1.8	8.3		ST18-AM05
7	GIRORO-2		1415	100	141.5	2.13	2.41	2	8.5		ST18-AM06
8	DORORO-1		1163	100	116.3	2.11	2.36	2.1	8.5		ST18-AM07
9	DORORO-2		1014	100	101.4	2.1	2.38	2.1	8.6		ST18-AM08
10	KURURU-1		1161	100	116.1	2.11	2.29	2.1	8.4		ST18-AM09
11	KURURU-2		1253	100	125.3	2.12	2.37	1.8	8.4		ST18-AM10

樣品名稱必填

濃度、純度、等樣品資訊
可選擇不填寫

Sample ID 必填

Sample Overview

若不確定該樣品的 Sample ID 為何
可至 Sample Overview
利用 Sample Name 搜尋樣品資料

Sample ID ↓ Sample Name ↓ Create Date ↓ QC Result ↓

 Start: 17 17 ☐ None
 End: 17 17 ☐ Pass ☐ Fail 確定

of query result: [1]

Sample ID Sample Name

ST18-AM07 DORORO-1

Sample ID: ST18-AM07 QC Pass

Sample Info

Sample Name	Create Date	Input Box	Organism or Species	Sample Type	Qubit (ng/ul)	Nano Drop (ng/ul)	Vol. (ul)	Amt. (ng)	OD 260/280	OD 260/230	rRNA Ratio	RIN	Owner(s)
DORORO-1	2018/03/29 12:23	25 store	frog	RNA	1163	1163	100	116.3	2.11	2.36	2.1	8.5	1. Keroko Kaeru

Sample QC

QC Result	Create Date	Qubit RNA (ng/ul)	Volume(ul) after QC	Amount(ug) after QC	rRNA Ratio	RIN Value	Note
Pass	2018/03/29 12:25	1163	100	116.3	2.1	8.5	

Case List

Case Overview

若不確定該樣品的 Sample ID 為何
可至 Case Overview
利用 Case ID 搜尋該樣品所屬的案件

Case ID: 20180329-S1 Case Status: ▼

QTID: Accept Date: 17 ~ 17

☒ Illumina ☒ PacBio 確定

Case ID	Instrument	Accept Date	App. Type	Seq Info	Status	Status Updated	Select Sample	Sample QC Report	Lib Prep Report
20180329-S1	Illumina	2018/3/29 下午 12:23	QC		QC Finished	2018/3/29 下午 12:26			

點 Sample QC Report 的文件圖示
即可在 Sample QC Summary 清單中找到該樣品的 Sample ID

Sample QC Summary											
Sample ID	Sample Name	Note for Case	Qubit RNA (ng/ul)	Volume(ul) After QC	Amount(ug) After QC	RNA Ratio	RIN Value	QC Result	Note	Status	Selected
ST18-AM01	KERORO-1		1216	100	121.6	1.9	8.2	Pass		QC Pass	
ST18-AM02	KERORO-2		1387	100	138.7	2.5	8.2	Pass		QC Pass	
ST18-AM03	TAMAMA-1		1262	100	126.2	2.3	8.3	Pass		QC Pass	
ST18-AM04	TAMAMA-2		1255	100	125.5	1.8	8.5	Pass		QC Pass	
ST18-AM05	GIRORO-1		1127	100	112.7	1.8	8.3	Pass		QC Pass	
ST18-AM06	GIRORO-2		1415	100	141.5	2	8.5	Pass		QC Pass	
ST18-AM07	DORORO-1		1163	100	116.3	2.1	8.5	Pass		QC Pass	
ST18-AM08	DORORO-2		1014	100	101.4	2.1	8.6	Pass		QC Pass	
ST18-AM09	KURURU-1		1161	100	116.1	2.1	8.4	Pass		QC Pass	
ST18-AM10	KURURU-2		1253	100	125.3	1.8	8.4	Pass		QC Pass	

我想把自己製備好的 Library 送去上機， 在申請的時候需要注意什麼嗎？

(A-09)

- 申請定序服務的時候，請在 Application Type 項目中勾選 (S-L) Ready-to-Seq Library。
- 若你只有 Qubit 濃度的資料的話，請在樣品明細表的 Nano Drop、OD 260/280、OD 260/230 這三個欄位填上 N/A 即可。
- 請務必提供 Index Sequences 給我們。你可以標註在樣品明細表的 Note 欄位中，或是另外整理好檔案，以 PDF 格式提供補充資料 (Upload Supplemental Information)。
- 另外如果你有自己的 Sequencing Primer 的話，請在送件的時候一併帶過來。

我想要拿以前在 NGS Core 製備好的 Library 出來 再次申請上機，該如何操作呢？

(A-10)

- 申請定序服務的時候，請在 Application Type 項目中勾選 (S-L) Ready-to-Seq Library。
- 填寫樣品明細表的方式同 [\(A-08\)](#)。
- 另外也請別忘了在 Note 欄位中提供你想要再次拿來上機的 Library ID 給我們。

MANAGEMENT



提出申請之後（尚未送樣）， 我要怎麼利用 QTID 查詢申請進度？

(M-01)

- 進入主選單 SERVICE 之下的 Request Overview 頁面，即可瀏覽所有案件的申請進度。另外也可以在主選單下方的搜尋方塊中，輸入 QTID 或設定申請日期範圍，以進一步查詢特定案件的申請進度。
- Pending：已提出線上申請；等待進行 Application Pre-check。
- In Need of Revision：該申請案經 Application Pre-check 後，發現有部分填寫錯誤需要修改。
- Wait For Sample Submission：該申請案已通過 Application Pre-check，可以預約送件。
- Request Accepted：樣品已被 NGS Core 接收，案件成立。
- Request Canceled：該申請已被取消。

Service Request Form List

[Apply for Services](#)
[Request Overview](#)

至 Request Overview
即可瀏覽所有案件的申請進度

QTID: Status:

Application Date: 2018/3/22 ~ 2018/3/27

☒ Illumina ☒ PacBio

確定

在搜尋方塊中輸入 QTID 或設定申請日期範圍
可進一步查詢特定案件的申請進度

QTID	Instrument	Apply Date	App. Type	Status	Applicant	User Info	Service Info	Sample Info	Re-send	Cancel
QT180327-000051	Illumina	2018/03/27 11:13	S-G	Pending	Tamama Kun					
QT180327-000050	Illumina	2018/03/27 11:09	S-E	In Need of Revision	Tamama Kun	Edit	Edit	Edit	Re-send	Cancel
QT180327-000049	Illumina	2018/03/27 11:06	S-B	Wait For Sample Submission	Tamama Kun					
QT180327-000048	Illumina	2018/03/27 10:23	S-I	Request Accepted	Tamama Kun					
QT180322-000047	Illumina	2018/03/22 13:10	S-Ca	Request Canceled	Keroko Kaeru					

我收到 Your Application Is in Need of Revision 的通知， 接下來該怎麼做？

(M-02)

- 若你收到 Your Application Is in Need of Revision 的通知，表示該申請案經 Application Pre-check 後，發現有部分填寫錯誤需要修改。
- 請利用 QTID 至主選單 SERVICE 之下的 Request Overview 頁面找出該案件，並依需求進入 User Info、Service Info、或 Sample Info 進行編輯。完成後，按下 Re-send 按鈕，即可將申請再次送出審查。

Service Request Form List

Apply for Services

Request Overview

至 Request Overview
利用 QTID 找出該案件

QTID: QT180925-000095

Status: ▼

Application Date: 17 ~ 17

☒ Illumina ☒ PacBio

確定

QTID	Instrument	Apply Date	App. Type	Status	Applicant	User Info	Service Info	Sample Info	Re-send	Cancel
QT180925-000095	Illumina	2018/9/25 下午 5:41	S-L	In Need of Revision	Tamama Kun	Edit	Edit	Edit	Re-send	Cancel

按 Edit 進入編輯

編輯完成後，按下
Re-send 再次送出審查

我可以收回已提出的申請嗎？

(M-03)

- 可以。當你的案件申請進度顯示為 In Need of Revision 的時候，按下 Cancel 按鈕，即可收回申請。
- 若案件申請進度顯示為 Pending 或 Wait For Sample Submission，而你又想收回申請的話，請來信或來電告知，我們將會為你處理（聯絡資訊如下）。
- Core Manager：呂美曄 研究副技師（Dr. Mei-Yeh Lu）
Email：biofuel@gate.sinica.edu.tw
Office Tel：(02) 2787-2218

Service Request Form List

Apply for Services

Request Overview

至 Request Overview
利用 QTID 找出該案件

QTID: QT180925-000095

Status: ▼Application Date: 17 ~ 17☒ Illumina ☒ PacBio

確定

QTID	Instrument	Apply Date	App. Type	Status	Applicant	User Info	Service Info	Sample Info	Re-send	Cancel
QT180925-000095	Illumina	2018/9/25 下午 5:41	S-L	In Need of Revision	Tamama Kun	Edit	Edit	Edit	Re-send	Cancel

申請進度顯示為
In Need of Revision

按下 Cancel
收回申請

案件成立之後（已經送件）， 我要怎麼利用 Case ID 查詢執行進度？

(M-04)

- 進入主選單 CASE 之下的 Case Overview 頁面，即可瀏覽所有案件的執行進度。另外也可以在主選單下方的搜尋方塊中，輸入 Case ID、QTID、或設定申請日期範圍，以進一步查詢特定案件的執行進度。
- Sample Delivery：樣品已送達；等待進行 Sample QC。
- QC Finished：樣品已完成 QC，可以查看結果。
- Start Lib Prep：正在進行樣品製備。
- Lib Prep Finished / Ready-to-Seq：樣品已完成製備，可以查看結果；等待安排上機。
- QC Failed / Lib Prep Failed：有樣品未通過 QC 或製備失敗，等待 User 決定進一步的處置。
- Sequencing：正在進行上機定序。
- Case Closed：定序完成，且已將定序結果寄出；結案。

Case List

Case Overview

至 Case Overview
即可瀏覽所有案件的執行進度

Case ID: Case Status:

QTID: Accept Date: 17 ~ 17

☒ Illumina ☒ PacBio

在搜尋方塊中輸入 Case ID、QTID、或設定
申請日期範圍，可進一步查詢特定案件的執行進度

Case ID	Instrument	Accept Date	App. Type	Seq Info	Status	Status Updated	Select Sample	Sample QC Report	Lib Prep Report
20180801-S3	Illumina	2018/8/1 上午 10:39	S-E	HiSeq Rapid SR 50, 1.0 Lane(s)	Sample Delivery	2018/8/1 上午 10:39			
20180926-S2	Illumina	2018/9/26 下午 3:02	S-Sa	HiSeq HT SR 100, 1.0 Lane(s)	QC Failed	2018/9/26 下午 3:09			
20180802-S2	Illumina	2018/8/2 下午 3:45	S-B	HiSeq HT PE 2*125, 1.0 Lane(s)	QC Finished	2018/8/2 下午 3:50			
20180906-S1	Illumina	2018/9/6 上午 11:50	S-L	HiSeq Rapid PE 2*150, 1.0 Lane(s)	Start Lib Prep	2018/9/6 下午 12:00			
20180926-S3	Illumina	2018/9/26 下午 5:20	S-E	HiSeq HT SR 100, 1.0 Lane(s)	Lib Prep Failed	2018/9/27 下午 12:09			
20180801-S5	Illumina	2018/8/1 下午 2:54	S-Ca	HiSeq HT PE 2*125, 0.6 Lane(s)	Lib Prep Finished	2018/9/5 上午 11:09			
20180731-S7	Illumina	2018/7/31 下午 5:06	S-Sa	HiSeq Rapid SR 100, 1.0 Lane(s)	Ready-to-Seq	2018/8/2 下午 3:06			
20180731-S8	Illumina	2018/7/31 下午 10:56	S-Ta	HiSeq Rapid PE 2*100, 1.0 Lane(s)	Sequencing	2018/9/26 上午 11:37			
20180802-S1	Illumina	2018/8/2 下午 1:42	S-G	HiSeq Rapid SR 100, 1.0 Lane(s)	Case Closed	2018/8/27 下午 2:40			

我可以收回已成立的案件嗎？

(M-05)

- 可以。請來信或來電告知，我們將會為您處理（聯絡資訊如下）。但請注意，如果你的案件已經進入實驗流程，則必須支付相對應的費用。
- Core Manager：呂美曄 研究副技師（Dr. Mei-Yeh Lu）
Email：biofuel@gate.sinica.edu.tw
Office Tel：(02) 2787-2218

我收到 Sample QC Report Is Ready For Review 的通知， 可以去哪裡看結果？

(M-06)

- 若 Sample QC 完成，你會收到 Sample QC Report Is Ready For Review 的系統通知信，這時你便可以登入 LIMS 查看結果或下載報告。
- 請利用 Case ID 至主選單 CASE 之下的 Case Overview 頁面找到該案件，點 Sample QC Report 的文件圖示，則可以瀏覽 Sample QC Summary；另外在同一個頁面上方的 Case Info 表格中，點 QC Report 的下載圖示，則可以下載完整的報告 (.xlsx)。

Case List

Case Overview

Case ID: 20180926-S3 Case Status: ▼

QTID: Accept Date: 17 ~ 17

☒ Illumina ☒ PacBio 確定

收到 QC 完成通知信之後
至 Case Overview 找出該案件
(可利用 Case ID 搜尋)

Case ID	Instrument	Accept Date	App. Type	Seq Info	Status	Status Updated	Select Sample	Sample QC Report	Lib Prep Report
20180926-S3	Illumina	2018/9/26 下午 5:20	S-E	HiSeq HT SR 100, 1.0 Lane(s)	QC Finished	2018/9/26 下午 5:23			

Sample QC Report

NGS Core Case Info

Case ID	20180926-S3 QC Finished	QTID	QT180926-000098
App Type	(S-E) TruSeq Small RNA Lib miRNA	Seq Info	HiSeq HT SR 100, 1.0 Lane(s)
Sample List	View Sample List	Accept Date	2018/9/26 下午 5:20
Signed File		QC Report	
		Lib Prep Report	

點此可下載報告
Sample QC Report (.xlsx)



查看 QC 結果
並下載報告

Sample QC Summary

Sample ID	Sample Name	Qubit RNA (ng/ul)	Volume(ul) After QC	Amount(ug) After QC	RNA Ratio	RIN Value	QC Result	Note	Status	Selected
ST18-AY01	KERORO-1	1555	135	209.93	1.9	8.2	Pass		QC Pass	
ST18-AY02	KERORO-2	1120	85	95.2	2.5	8.2	Pass		QC Pass	
ST18-AY03	TAMAMA-1	1205	85	102.43	2.3	8.3	Pass		QC Pass	
ST18-AY04	TAMAMA-2	1435	185	265.48	1.8	8.5	Pass		QC Pass	
ST18-AY05	GIRORO	1450	180	261	1.8	8.3	Pass		QC Pass	
ST18-AY06	DORORO	1335	150	200.25	2	8.5	Pass		QC Pass	
ST18-AY07	KURURU-1	1240	95	117.8	2.1	8.5	Pass		QC Pass	
ST18-AY08	KURURU-2	1100	120	132	2.1	8.6	Pass		QC Pass	

我的樣品未通過 QC (Sample QC Fail) ，接下來該怎麼做？ (M-07)

- 請先登入 LIMS ，並依 [\(M-06\)](#) 步驟查看 Sample QC 的結果，再點 Select Sample 的圖示，以針對 Failed Sample 決定進一步的處置。依樣品點選好之後，在下方黃色方塊中，填上各種處置方式的數量，才可以按下 Submit 按鈕送出。
- 有以下四種處置方式：
- Replace：準備好新的樣品用以替換。有關替換樣品的操作方式，請參考 [\(M-08\)](#)。
- Proceed：無論如何都要使用此樣品來製備 Library。
- Withdraw：放棄此樣品，不用來製備 Library。
- Purification：本實驗室使用磁珠純化（請參考網頁：[AMPure XP](#)）且不保證純化過後的樣品品質一定會有大幅改善。

Case List

Case Overview

Case ID: 20180926-S2 Case Status: ▼

QTID: Accept Date: 17 ~ 17

☒ Illumina ☐ PacBio

收到 QC 完成通知信之後
至 Case Overview 找出該案件
(可利用 Case ID 搜尋)

Case ID	Instrument	Accept Date	App. Type	Seq Info	Status	Status Updated	Select Sample	Sample QC Report	Lib Prep Report
20180926-S2	Illumina	2018/9/26 下午 3:02	S-Sa	HiSeq HT SR 100, 1.0 Lane(s)	QC Failed	2018/9/26 下午 3:09			

QC Failed Samples

Sample ID	Sample Name	Note
ST18-AX01	KERORO-1	☐ Replace ☒ Proceed ☐ Sample Purification ☐ Withdraw
ST18-AX04	TAMAMA-2	☐ Replace ☒ Proceed ☐ Sample Purification ☐ Withdraw
ST18-AX07	KURURU-1	☐ Replace ☐ Proceed ☐ Sample Purification ☒ Withdraw



針對 Failed Sample
決定進一步的處置

Download [Sample Submission Form Template](#)

Upload 未選擇任何檔案

依樣品點選好處置方式之後
需再次確認數量
才可以按下 Submit 按鈕送出

Please Confirm Your Decision:

of Sample to Replace:

of Sample to Proceed:

of Sample to do Sample Purification:

of Sample to Withdraw:

我想送新的樣品來替換 Failed Sample，該如何操作呢？

(M-08)

- 準備好新的樣品之後，請登入 LIMS 並參考 [\(M-07\)](#) 以進入該案件的 Failed Sample 處置頁面。
- 將需要替換的樣品選擇 Replace，並於下方 Download 處下載樣品明細表 (Sample Submission Form Template)，填好之後即可上傳。上傳成功的話，下方會出現明細內容。最後請於黃色方塊中填上各種處置方式的數量，才可以按下 Submit 按鈕送出，此時你的案件狀態便會從 QC Failed 變成 Sample Delivery。
- 若你還另有準備替換樣品的補充資料，請於 Case Overview 的頁面找到該案件，點 Case ID 進入後，在標籤頁 Sample Submission Form 中，上傳替換樣品的補充資料。請注意檔案名稱是否符合規定，且補充資料的上傳格式必須為 PDF 檔。
- 完成以上動作後，即可約時間送件。

1

下載
空白表格 (.xls)

QC Failed Samples

Sample ID	Sample Name	Note
ST18-AX01	KERORO-1	☒ Replace ☐ Proceed ☐ Sample Purification ☐ Withdraw
ST18-AX04	TAMAMA-2	☒ Replace ☐ Proceed ☐ Sample Purification ☐ Withdraw
ST18-AX07	KURURU-1	☒ Replace ☐ Proceed ☐ Sample Purification ☐ Withdraw

Download [Sample Submission Form Template](#)

Upload 20180926-S2_...sionForm.xls

Sample Sheet:

No	Sample Name	Qubit (ng/ul)	Nano Drop (ng/ul)	Vol. (ul)	Amt. (ng)	OD 260/280	OD 260/230	rRNA Ratio	RIN	Notes	Status	Receive Date	Sample ID
1.	KERORO-3	1555	1216	135	209.925	2.1	2.34	1.9	8.2	to substitute for ST18-AX01	Waiting		
2.	TAMAMA-3	1435	1255	185	265.475	2.1	2.24	1.8	8.5	to substitute for ST18-AX04	Waiting		
3.	KURURU-3	1240	1163	95	117.8	2.11	2.36	2.1	8.5	to substitute for ST18-AX07	Waiting		

Please Confirm Your Decision:

of Sample to Replace:

of Sample to Proceed:

of Sample to do Sample Purification:

of Sample to Withdraw:

將需要替換的樣品
選擇 Replace

上傳樣品明細表

再次確認數量

2

至標籤頁 Sample Submission Form

Application

Sample Submission Form

注意事項:

- Please refer to "NGS Sample Preparation Guide" for the quality of samples fit the NGS requirement.
- Sample Name must be the same as the labeling on the tube

Sample Information:

Organism or Species*	FROG	Sample Definition*:	
Genome Size or DNA Length*	2GB	☐ genomic DNA	☐ amplicon ☒ total RNA
Purification Method*	KIT	☐ ChIP DNA	☐ cDNA ☐ Ready-to-seq L
Enzyme Treatment & Usage:		☐ plasmid DNA	☐ mRNA ☐ other
	Dissolved in*: EB	Sample Type*: RNA	

File List:

No.	Submission Date	Sample Sheet	Sample Submission Form	Supplemental Information
1	2018/09/26	View Contents	Download	Download
2		View Contents	Download	Upload

Case List

Case Overview

Case ID: 20180926-S2 Case Status: ▼

QTID: Accept Date: 17 ~ 17

☒ Illumina ☐ PacBio 確定

Case ID	Instrument	Accept Date	App. Type	Seq Info	Status	Status Updated	Select Sample	Sample QC Report	Lib Prep Report
20180926-S2	Illumina	2018/9/26 下午 3:02	S-Sa	HiSeq HT SR 100, 1.0 Lane(s)	QC Failed	2018/9/26 下午 3:09			

收到 QC 完成通知信之後
至 Case Overview 找出該案件
(可利用 Case ID 搜尋)

上傳替換樣品的補充資料 (.pdf)

Upload Supplemental Information File

Upload* 選擇檔案 未選擇任何檔案

File name should begin with 'S-Sa_supplInfo_2.pdf'

Submit

我收到 Library Prep Is Finished 的通知， 可以去哪裡看結果？

(M-09)

- 若 Library Prep 完成，你會收到 Library Preparation Is Finished 的系統通知信，這時你便可以登入 LIMS 查看結果或下載報告。
- 請利用 Case ID 至主選單 CASE 之下的 Case Overview 頁面找到該案件，點 Lib Prep Report 的文件圖示，則可以瀏覽 Lib Prep Summary；另外在同一個頁面上方的 Case Info 表格中，點 Lib Prep Report 的下載圖示，則可以下載完整的報告 (.xlsx)。

Case List

Case Overview

Case ID: 20180926-S2 Case Status: ▼

QTID: Accept Date: 17 ~ 17

☒ Illumina ☒ PacBio 確定

收到 Lib Prep 完成通知信之後
至 Case Overview 找出該案件
(可利用 Case ID 搜尋)

Case ID	Instruement	Accept Date	App_Type	Seq Info	Status	Status Updated	Select Sample	Sample QC Report	Lib Prep Report
20180926-S2	Illumina	2018/9/26 下午 3:02	S-Sa	HiSeq HT SR 100, 1.0 Lane(s)	Lib Prep Finished	2018/9/27 上午 11:31			

Library Prepare Report

NGS Core Case Info

Case ID	20180926-S2	Lib Prep Finished	QTID	QT180926-000096
App Type	(S-Sa) Stranded mRNA Lib TruSeq, Poly-A		Seq Info	HiSeq HT SR 100, 1.0 Lane(s)
Sample List	View Sample List		Accept Date	2018/9/26 下午 3:02
Signed File			QC Report	
			Lib Prep Report	

點此可下載報告
Lib Prep Report (.xlsx)

查看 Lib Prep 結果
並下載報告

Ready for SeqRun

Sample ID	Sample Name	Library List													
		Library ID	Status	Result	Create Date	i7-i5 Index Number	i7 Barcode Sequences	i5 Barcode Sequences	Lib Qubit Conc(ng/ul)	Library Size(bp)	Molarity(nM) by Qubit	Initial Dilution for qPCR(nM)	qPCR(nM) Normalized	Formula(nM) Adjusted	Normalized Lib Molarity(nM)
ST18-AX02 Lib Prep Pass	KERORO-2	LTS18-AX02	Lib Prep Pass	Pass	2018/9/27 上午 11:31	AR002	CGATGT		10.3	348	44.8	5	10.5	5.1	46.1
		LTS18-AX03	Lib Prep Pass	Pass	2018/9/27 上午 11:31	AR004	TGACCA		14.7	346	64.4	5	11.1	5.3	67.9
ST18-AX03 Lib Prep Pass	TAMAMA-1	LTS18-AX03	Lib Prep Pass	Pass	2018/9/27 上午 11:31	AR004	TGACCA		14.7	346	64.4	5	11.1	5.3	67.9
		LTS18-AX05	Lib Prep Pass	Pass	2018/9/27 上午 11:31	AR005	ACAGTG		17.2	347	75.1	5	10.9	5.2	78.6
ST18-AX05 Lib Prep Pass	GIRORO	LTS18-AX05	Lib Prep Pass	Pass	2018/9/27 上午 11:31	AR005	ACAGTG		17.2	347	75.1	5	10.9	5.2	78.6
		LTS18-AX05	Lib Prep Pass	Pass	2018/9/27 上午 11:31	AR005	ACAGTG		17.2	347	75.1	5	10.9	5.2	78.6

我的樣品製備失敗 (Library Prep Fail) ，接下來該怎麼做？ (M-10)

- 請先登入 LIMS ，並依 [\(M-09\)](#) 步驟查看 Lib Prep 的結果，再點 Select Sample 的圖示，以針對 Failed Library 決定進一步的處置。依樣品點選好之後，在下方黃色方塊中，填上各種處置方式的數量，才可以按下 Submit 按鈕送出。
- 有以下三種處置方式：
- Replace：準備好新的樣品用以替換重新製備。有關替換樣品的操作方式，請參考 [\(M-08\)](#)。
- Proceed：無論如何都要使用此 Library 來上機定序。
- Withdraw：放棄此 Library，不用來上機定序。

Case List

Case Overview

Case ID: 20180926-S3

Case Status: ▼QTID: Accept Date:

17

17

☒ Illumina ☒ PacBio

確定

收到 Lib Prep 完成通知信之後
至 Case Overview 找出該案件
(可利用 Case ID 搜尋)

Case ID	Instrument	Accept Date	App. Type	Seq Info	Status	Status Updated	Select Sample	Sample QC Report	Lib Prep Report
20180926-S3	Illumina	2018/9/26 下午 5:20	S-E	HiSeq HT SR 100, 1.0 Lane(s)	Lib Prep Failed	2018/9/27 下午 12:09			

針對 Failed Library
決定進一步的處置

Lib Prep Failed Samples

Sample ID Sample Name Replace Failed Library ID

ST18-AY01 KERORO-1 ☐ Replace [LTE18-AY01](#) ☒ Proceed ☐ Withdraw

Download [Sample Submission Form Template](#)

Upload 未選擇任何檔案

依樣品點選好處置方式之後
需再次確認數量
才可以按下 Submit 按鈕送出

Confirm your submitted :

of Sample to Replace: # of Lib ID to Proceed: # of Lib ID to Withdraw:



NGS High **T**hroughput **G**enomics **C**ore at **BRCAS**

